

کیت اندازه گیری فعالیت لیزیل  
اکسیداز (LOX)

به روش کالریمتری و فلوریمتری

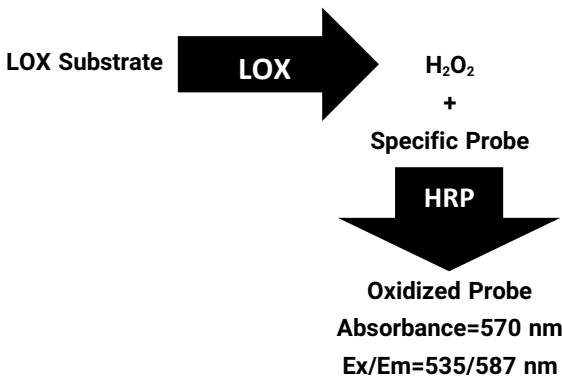
**Lysyl Oxidase Activity Kit**

## اصول کار

آنزیم لیزیل اکسیداز (LOX) یکی از آنزیم های اصلی تنظیم کننده ساخت کلاژن و در نتیجه ماتریکس خارج سلولی می باشد. این آنزیم توسط هاپیوکسی القا می شود و به عنوان یکی از مارکرهای اصلی متاستاز سلول های سرطانی شناخته می شود.

در این کیت آنزیم توسط سوبسترای ویژه خود فعالیت می کند و سپس با اکسید کردن پروب ویژه به هر دو روش کالریمتری و فلوریمتری فعالیت آن ثبت می شود.

### اصول واکنش:



# اطلاعات کلی و محتویات

نگهداری و حمل:

در دمای °C 20- نگهداری شود. حمل توسط یخ مرطوب انجام می شود.

## مقدار نمونه پیشنهادی

نمونه	حداکثر	مطلوب
Tissue	30 mg	20 mg
Cells	$1.5 \times 10^6$	$5 \times 10^5 - 1 \times 10^6$
Serum	20 $\mu$ l	10 $\mu$ l

## محتویات کیت

مقدار/تعداد	ماده	شماره
5 mL	LOX Substrate Buffer	۱
20 $\mu$ L	LOX Probe	۲
100 $\mu$ L	HRP	۳
50 mL	LOX Lysis Buffer	۴
1 PCs	96-well Clean photometric Plate	۵
در صورت درخواست	96-well Dark Fluorometric Plate	
1 PCs	Protocol Booklet	۶

## موارد مورد نیاز اضافی

- ست سمپلر متغیر و چند کاناله
- سرسمپلر مناسب
- میکروتیوب ۱/۵ میلی لیتری
- سانتریفیوژ دور بالا (12000 RPM)
- دستگاه Plate Reader با طول موج 520-570 نانومتر یا دستگاه فلورسانس با مشخصات Ex/Em=537/586
- مهار کننده پروتئازها (پیشنهادی کیازیست KPI100)
- پلیت تیره مخصوص فلوریمتری (همراه با کیت درخواست شود)

نکته: قبل از شروع، آزمایش با یک نمونه جهت مشخص ساختن مقدار نمونه به صورت پایلت (Pilot) به همراه یک استاندارد انجام شود.

\*قبل از انجام تست کل پروتکل را بخوانید.

# آماده سازی نمونه

## هموژن کردن بافت

نمونه بافت: ۱۰ تا ۲۰ میلی گرم از بافت را توسط سونیکاتور و یا هموژنایزر در بافر LOX Lysis Buffer (یا بافر جایگزین) که حاوی کوکتل مهارکننده پروتئاز می باشد لیز کرده و سپس در 12000 rpm به مدت ۱۵ دقیقه در 4 °C سانتریفیوژ کنید. سوپرناتانت را در تیوب جدید در دمای 80°C- فریز کنید.

## سلول های چسبنده

محیط را خالی و سپس سلول ها را تربیسینه کرده و پس از سانتریفیوژ کردن سوپرناتانت را دور ریخته و در بافر LOX Lysis Buffer (یا بافر جایگزین) که حاوی کوکتل مهارکننده پروتئاز می باشد تا ۳ بار فریز و دفریز نمایید تا سلول ها لیز شوند. سپس در 12000 rpm به مدت ۱۵ دقیقه در 4 °C سانتریفیوژ کنید. سوپرناتانت را در تیوب جدید در دمای 80°C- فریز کنید.

## سلول های معلق

پس از سانتریفیوژ کردن سوپرناتانت را دور ریخته و در بافر LOX Lysis Buffer (یا بافر جایگزین) که حاوی کوکتل مهارکننده پروتئاز می باشد تا ۳ بار فریز و دفریز کرده تا سلول ها لیز شوند. سپس در 12000 rpm به مدت ۱۵ دقیقه در 4 °C سانتریفیوژ کنید. سوپرناتانت را در تیوب جدید در دمای 80°C- فریز کنید.

## نمونه پلاسما

خون را در تیوب حاوی ضد انعقاد ریخته و به مدت ۱۰ دقیقه در 1000xg سانتریفیوژ کنید. پلاسمای زرد رنگ را بدون آسپیره کردن لایه سفید بافی (لکوسیت) برداشته و تا زمان آزمایش در دمای 80°C- فریز کنید.

## نمونه سرم

خون را در تیوب حاوی بدون انعقاد ریخته و به مدت ۳۰ دقیقه در دمای اتاق انکوبه کرده و سپس در 1000xg سانتریفیوژ کنید. سرم زرد رنگ را بدون آسپیره کردن لایه سفید بافی (لکوسیت) برداشته و تا زمان آزمایش در دمای 80°C- فریز کنید.

## آماده سازی کیت

- پس از آماده سازی نمونه موارد زیر را آماده کنید.
- همه محلول ها در دمای اتاق گرم شوند.
- تمام میکروتیوب ها اسپین شوند تا مواد از در و دیواره ها به ته ظرف جمع آوری شود.
- تمامی موارد آماده به مصرف می باشند.

## نحوه انجام آزمایش

۱. برای انجام آزمایش به ازای هر پنج نمونه طبق جدول زیر مسترمیکس آماده شود:

مقدار ( $\mu\text{L}$ )	نام ماده
250	LOX Substrate Buffer
5	HRP
1	LOX Probe

۲. سپس به هر چاهک  $50 \mu\text{L}$  از نمونه اضافه شود. توصیه می شود بنا به دلایل آماری نمونه ها حداقل به صورت دوتایی (Duplicate) انجام پذیرد.
۳. به چاهک های بلانک  $50 \mu\text{L}$  از LOX Lysis Buffer اضافه شود.
۴. سپس در صورتیکه دستگاه Plate Reader از دمای  $37^\circ\text{C}$  پشتیبانی می کند آن را آماده سازید.
۵. برای جذب کالریمتری طول موج  $570 \text{ nm}$  و برای فلوریمتری به صورت  $\text{Excitation/Emission}=537/585 \text{ nm}$  تنظیم شود.
۶. جذب به صورت کینتیک به مدت کلی  $50$  دقیقه و هر  $10$  دقیقه یک خوانش انجام پذیرد.
- نکته: برای روش فلوریمتری Gain باید طوری تنظیم شود که خوانش اولیه زیر  $50000 \text{ RUF}$  باشد.

## نحوه محاسبه

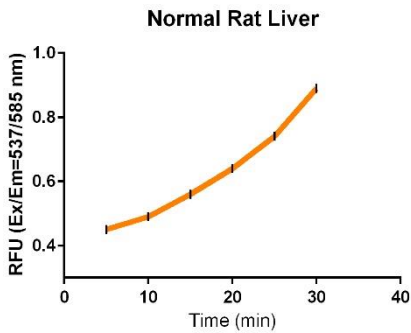
۱. ابتدا از چاهک های دوتایی میانگین بگیرید.
۲. میانگین جذب چاهک های بلانک را از نمونه ها کم کنید.
۳. سپس از فرمول زیر  $\Delta 570$  را محاسبه نمایید:

$$\Delta 570 = \frac{A2 - A1}{T2 - T1}$$

- جذب اول: A1
  - جذب دوم: A2
  - زمان جذب اول: T1
  - زمان جذب دوم: T2
- سپس با تقسیم  $\Delta 570$  گروه های درمانی بر  $\Delta 570$  گروه کنترل میزان تغییر (Fold Change) را نسبت به گروه کنترل بیان نمود.
  - جهت نرمال سازی مقادیر بهتر است میزان پروتئین یا DNA نمونه ها سنجیده شود و مقادیر برحسب میلی گرم پروتئین نرمال سازی شوند.



## نمونه تست



## مشکل یابی

مشکل	علت	راه حل
عدم وجود سیگنال	-مقدار نمونه اولیه کم	-مقدار نمونه اولیه را زیاد کم کنید
	-استفاده از روش کالریمتری	-از روش فلوریمتری به صورت ترجیحی استفاده کنید
	-تخریب نمونه	-نمونه ها تازه باشند و از مهارکننده پروتئاز استفاده شود
کدورت چاهک	-نمونه های با چربی بالا -نمونه با RBC لیز شده -نمونه با بیلی روبین بالا	-نمونه ها را رقیق کنید تا اثر مداخله گر ها از بین برود





# **KIAZIST**



[www.Kiazist.com](http://www.Kiazist.com)



081-3450 8267  
0930 402 4884



[Info@Kiazist.com](mailto:Info@Kiazist.com)